

# シングルセルRNA-seq バイオインフォマティクス解析

論文・学会発表クオリティの成果物を、**専門チームと協働で。**

PBMC・肝臓・滑膜・骨髄・脾臓・大脳・卵管・肺など、多様な組織の解析経験があります



論文・学会発表に  
そのまま使える

Methodドラフトと  
高解像度の図を納品



細胞アノテーションも  
標準装備

お客様と相談しながら  
自動推定を基に調整・最終化



Ph.D.取得者が在籍する  
専門チームが伴走

Ph.D.5名以上にITエンジニア  
等の専門家によるチーム体制



元データ(表)も  
納品で安心

数値データ・RDSファイルも  
納品するので、ご自身や共同  
研究者による更なる解析も可能

## ◆ 標準パイプライン 解析内容

01 QC  
フィルタリング

02 データ統合  
UMAP

03 クラスタリング  
マーカー探索(GO)

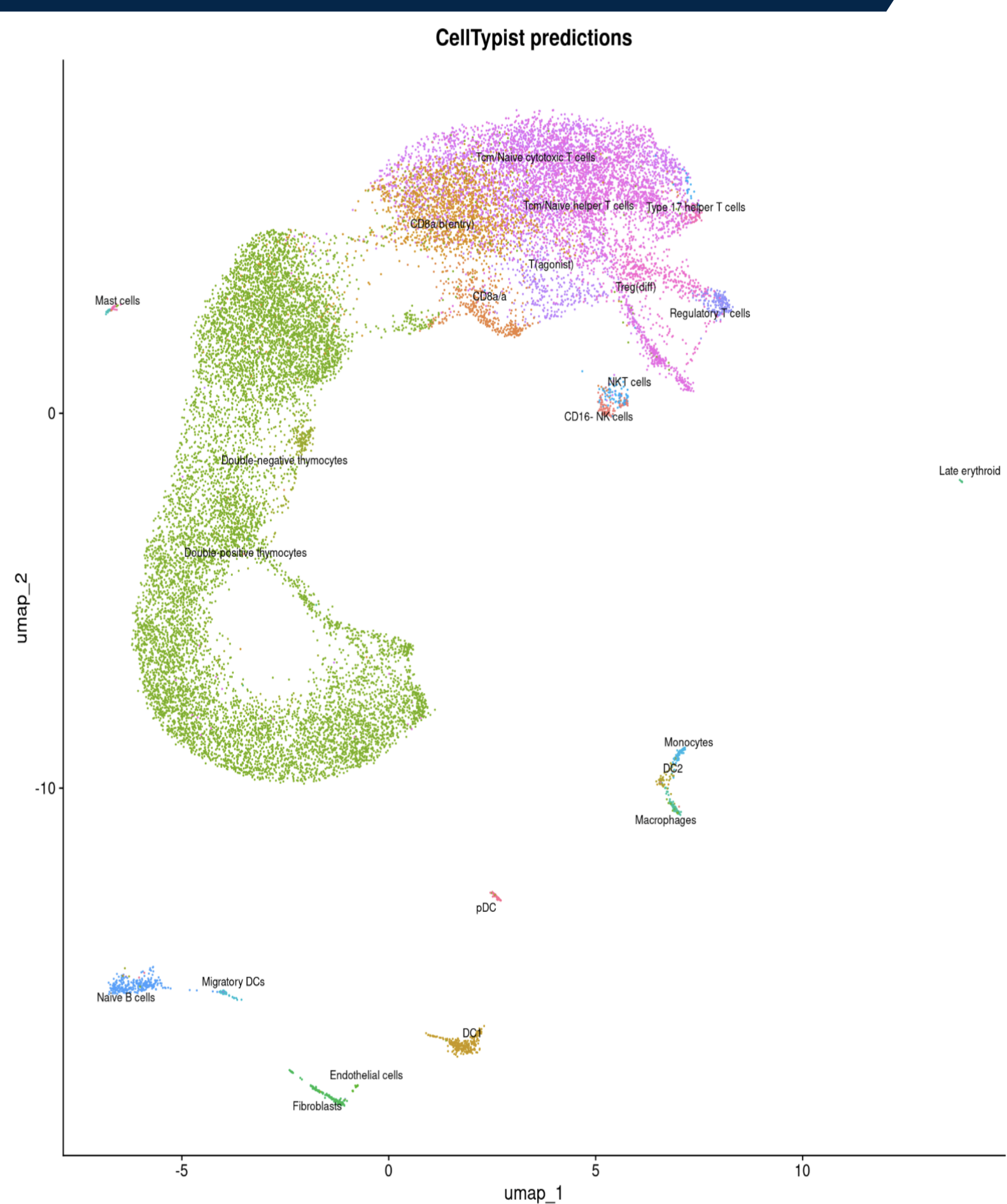
04 細胞アノテーション

+ 解析第2段階

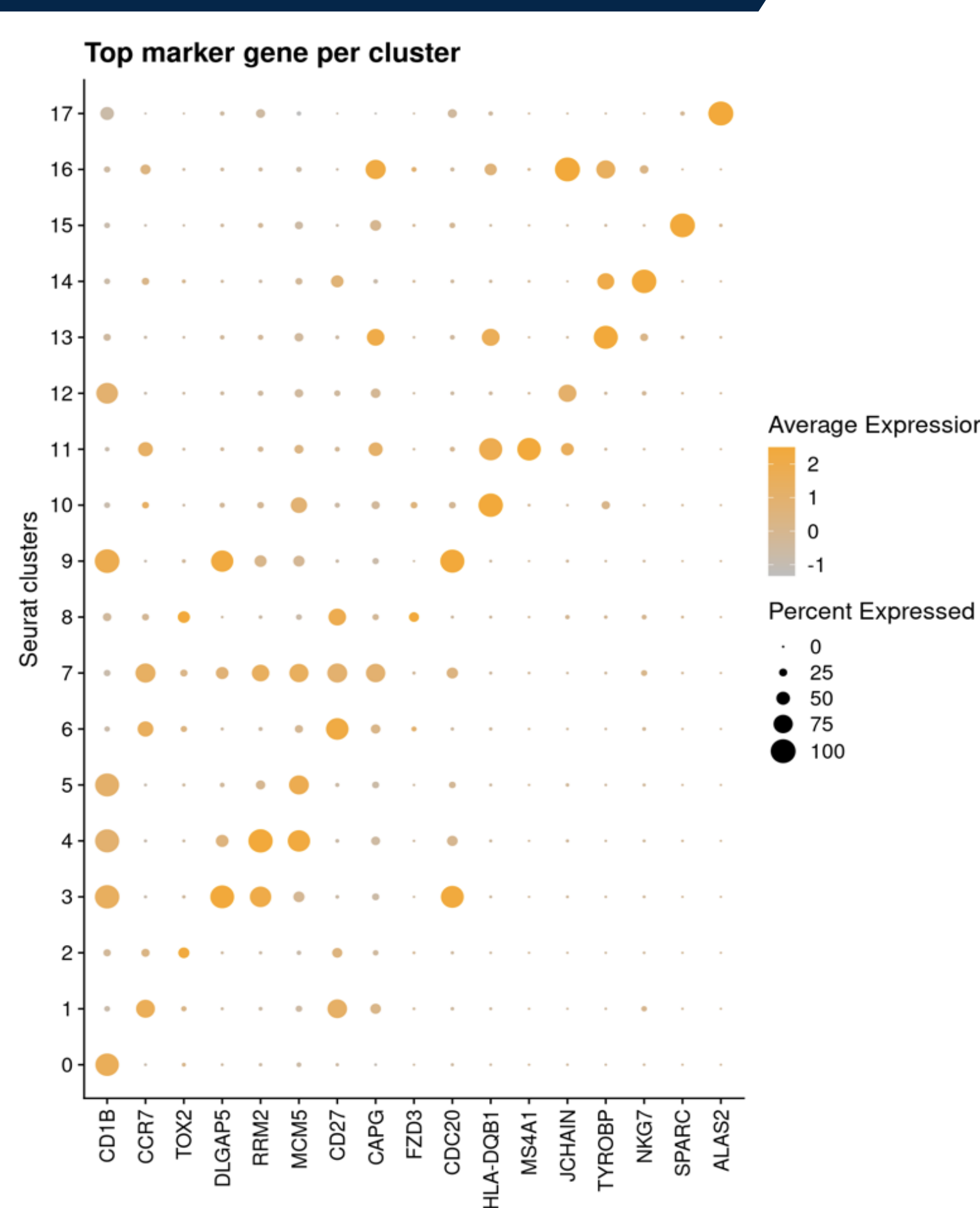
条件間変動遺伝子解析(DEG) + GO解析(2群間比較に対応)

## 成果物の例

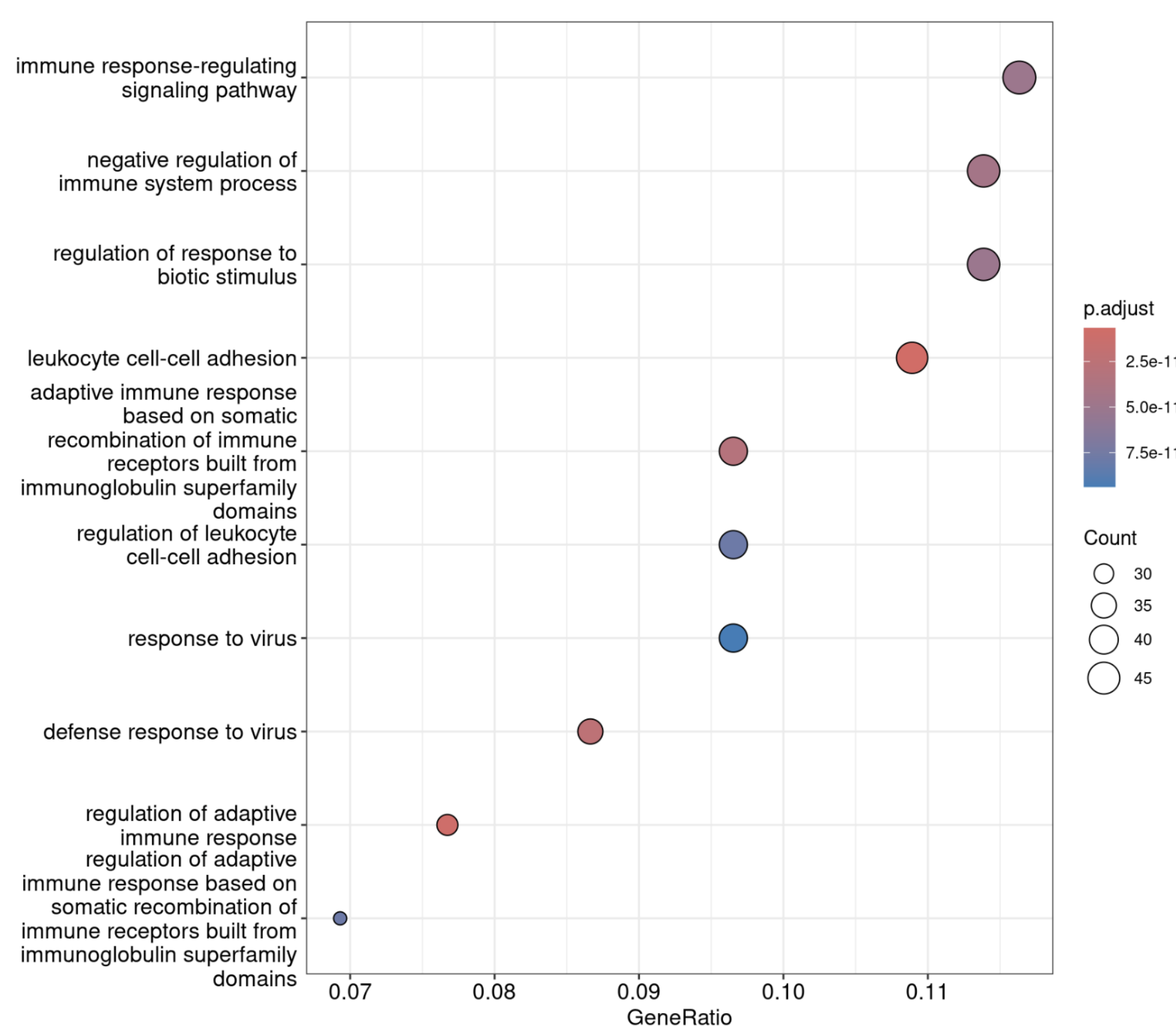
### UMAP・細胞アノテーション



### マーカー遺伝子 dot plot



### GO解析(ヒト・マウスの場合)



出典データ：Park et al., Science, 2020 (doi:10.1126/science.aay3224; E-MTAB-8581) / CC BY 4.0 をもとに当社作成

## ◆ オプション解析

擬時間解析

細胞系譜の推定

RNA velocity

発現変化の方向

Cell-Cell communication

細胞間相互作用

VDJレパトア

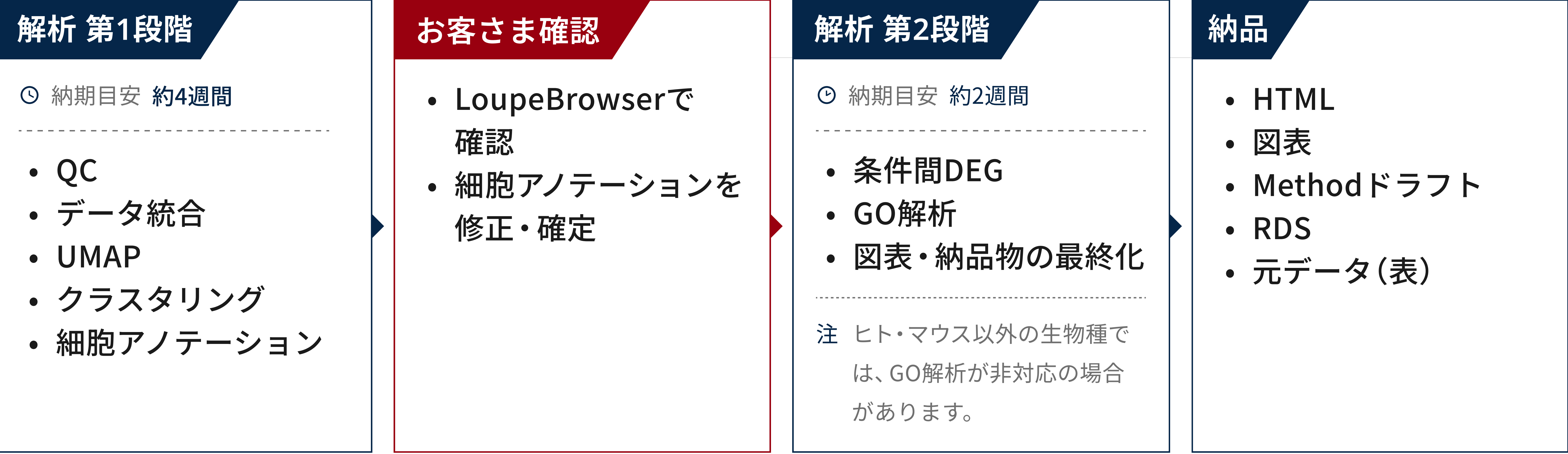
T/B細胞クローン

KOTAIバイオテクノロジーズは、  
10x Genomics・Olink® の認定サービスプロバイダーです。



# ご利用の流れと料金

## ◆ 解析の進め方・納期



|                     |                                                                              |                                                                        |                                                                                        |
|---------------------|------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------|
| 標準パイプラインの納品物に含まれるもの | <ul style="list-style-type: none"><li>クラスタリング結果</li><li>Methodドラフト</li></ul> | <ul style="list-style-type: none"><li>UMAP結果</li><li>元データ(表)</li></ul> | <ul style="list-style-type: none"><li>変動遺伝子解析(+GO)結果</li><li>解析に使用したデータ(RDS)</li></ul> |
|---------------------|------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------|

## ◆ ご依頼方法

|                 |                                                         |
|-----------------|---------------------------------------------------------|
| WET+DRY<br>実験から | サンプルをお送りいただき、ライブラリ調製・シーケンスから解析まで一貫対応。                   |
| DRY<br>データ解析のみ  | コアラボ等で取得済みのCell Ranger出力からでも対応。実験設備をお持ちの研究室にもご利用いただけます。 |

### 実験計画の段階から是非ご相談ください

試薬Chemistry差やバッチ効果は変動遺伝子解析・GO解析では補正できないため、適切な解析手法の選択や必要なN数の確保など、事前の実験設計が重要です。バイオインフォマティクス解析を想定した実験デザインのご相談をお待ちしております。

ご自身やコアラボで実験される場合もお気軽にご相談ください。対応可能なオプション解析は生物種やデータ生成に使用されたWETワークフローに依存します。オプション解析をご希望の場合も、実験デザインからお気軽にご相談ください。

## ◆ 料金

| 解析内容       |                   | 最初の4検体まで | 追加4検体ごと    |
|------------|-------------------|----------|------------|
| 標準パイプライン解析 |                   | 500,000円 | + 250,000円 |
| オプション      | VDJレパトア           | 250,000円 | + 125,000円 |
|            | RNA velocity      | 150,000円 | + 75,000円  |
|            | その他(擬時間・細胞間相互作用等) | 100,000円 | + 50,000円  |

※ 実験経路を問わず本料金で承ります(シーケンスから解析まで一貫してご依頼いただけるほか、コアラボ等で取得済みのCell Ranger出力からでも承ります)

※ 納品用ストレージは別料金です

Xenium / VisiumHD / MERSCOPE

空間遺伝子発現解析

のバイオインフォマティクス解析にも対応しています

代理店記入欄