

# 安心価格でオールインワンの 微生物シーケンス解析サービス

あなたの微生物研究の加速・深化のためのトータルサポート

サンプルを送るだけ！  
安心価格でご提供！



DNA抽出から解析まで  
一体型のサービスです。  
都内のラボで承ります。

論文執筆経験が豊富な  
チームが全力サポート



試験設計から結果解釈まで  
微生物解析の専門チームが  
各種ご相談に乗ります。

オーダーメイド解析・  
データ再解析も柔軟対応



自社研究に基づく多彩な論  
文執筆経験を活かし、**最適  
なプラン**をご提案します。

1 微生物叢のデータ解析  
全てお任せ

16S/18S/ITS rRNAアンプリコン解析

1検体 **¥15,000**

2 微生物組成から機能  
までまとめて解析

ショットガンメタゲノム解析

1検体(5Gb) **¥40,000**

3 単離菌株をゲノム解析  
で有効活用

単離菌株ゲノムシーケンス解析


1検体(300Mb) **¥30,000**

4 微生物を一細胞レベル  
で深く解析

微生物シングルセルゲノム解析

1解析 **¥450,000**

微生物シングルセルゲノム解析

解析メニュー	解析内容	解析データ量	検体単価	納期	送付サンプル例
お試しコース	検体処理、シーケンシング、基本データ解析	1プレート/検体：20Gb	¥450,000	6週間 (30営業日)	糞便・皮膚、 口腔内(唾液・ブランク) 土壌、温泉、海水、 OMV、培養液など  その他検体もご相談ください
推奨コース		1プレート/検体：30Gb	¥580,000		
増し増しコース		3プレート/検体：100Gb	¥1,000,000 (初回価格)		
微生物シングルセルゲノム解析とは？	培養プロセスを介さず微生物叢から個々の微生物をカプセル封入し、一細胞レベルでの高精度かつ大規模なゲノム解析を実現する技術です	技術の詳細はこちら			

ショットガンメタゲノム解析/単離菌株ゲノムシーケンス解析

解析メニュー	解析内容	解析データ量/検体	単価	納期	送付サンプル例
ショットガンメタゲノム解析	DNA抽出、シーケンシング、基本データ解析	5Gb	¥40,000	6週間 (30営業日)	○ショットガンメタゲノム 糞便、唾液、土壌、 温泉、海水など
		10Gb	¥70,000		
		20Gb~	¥100,000~		
単離菌株ゲノムシーケンス解析 (ショートリード)	DNA抽出、シーケンシング、基本データ解析	300 Mb	¥30,000	6-8週間	○単離菌株ゲノムシーケンス 単離培養株サンプル (細菌、古細菌、真菌など) 微量の菌株もご相談ください
		1 Gb	¥35,000		
単離菌株ゲノムシーケンス解析 (ショートリード×ロングリード)	DNA抽出、シーケンシング、基本データ解析 ハイブリッドアセンブル解析	検体に応じて要相談	お問い合わせ	6-8週間	

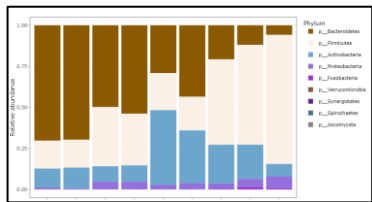
アンプリコン解析

解析メニュー	解析内容	解析データ量/検体	単価	納期	送付サンプル例
16S /18S /ITS rRNA アンプリコン解析(※)	DNA抽出、シーケンシング、基本データ解析	3万~6万リードペア	¥15,000	6週間 (30営業日)	糞便、唾液、土壌など各種 ご相談ください

※アンプリコン解析は8検体からの発注になります。

基本データ解析内容

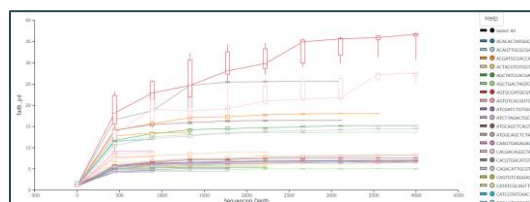
	ドラフトゲノム構築・評価	生物系統推定	遺伝子推定	菌叢組成解析	多様性解析
微生物シングルセルゲノム解析	○	○	○	-	-
ショットガンメタゲノム解析	○	○	○	○	-
単離菌株ゲノム解析	○	○	○	-	-
16S/18S/ITS rRNA アンプリコンシーケンス解析	-	-	-	○	○



例1：菌叢組成解析

Accession	Name	length_bp	genes	EC number	COG	product
SampleA_00080	CD5	1,104	ftsA_1	4.12.13		Fructose-bisphosphate aldolase
SampleA_00081	CD5	1,287	purA_1	6.3.4.4	Z060104	Adenylosuccinate synthetase
SampleA_00082	CD5	1,384	ftsA_1			ftsA_1, envelope transporter Csb
SampleA_00083	CD5	1,674	ftsA_1			Putative fusidic acid transporter Csb
SampleA_00084	CD5	793	ftsA_2			Putative fusidic acid transporter Csb
SampleA_00085	CD5	1,888	ftsA_1		COG1609	HTH-type transcriptional regulator OgaB
SampleA_00087	CD5	1,173	ftsA_1	2.4.1.7	COG0686	Succinate dehydrogenase
SampleA_00089	CD5	1,902	ftsA_1	2.4.1.18		1,4-alpha-glucan branching enzyme CgaB
SampleA_00101	CD5	870	metE_1		COG1175	Methionine/ethionine/tyrosine export permease protein MetE
SampleA_00102	CD5	895	metE_1		COG0895	Methionine/ethionine/tyrosine export permease protein MetE
SampleA_00104	CD5	1,350	ftsA_1			Inner membrane metabolite transporter YnfE
SampleA_00105	CD5	1,024	ftsA_1	1.13.1.82		Ketol acid reductoisomerase (KAI2)
SampleA_00106	CD5	1,041	ftsA_2	1.13.1.86	COG0859	Ketol acid reductoisomerase (KAI2P)
SampleA_00109	CD5	1,075	ftsA_1		COG1609	HTH-type transcriptional regulator OgaB
SampleA_00111	CD5	1,470	ftsA_1		COG1113	Aromatic amino acid transport protein AroP
SampleA_00113	CD5	1,481	ftsA_1			Oxidation-reduction potential-sensing efflux system protein KdsI
SampleA_00118	CD5	1,148	ftsA_1		COG1113	Oxidation-reduction potential-sensing efflux system protein KdsI
SampleA_00120	CD5	813	ftsA_1	2.8.1.15		Thioester synthase
SampleA_00121	CD5	963	ftsA_1	1.1.1.65		Proton-coupled dehydrogenase

例2：遺伝子推定・プロファイリング



例3：α-多様性解析

Option

バイオフィーム解析Option (例)

生合成遺伝子クラスター解析	系統樹解析	抗生物質耐性遺伝子解析	予測メタゲノム解析 (16S rRNA解析のみ)
比較ゲノム解析	シングルセルゲノム統合解析 (ccSAG / SAG-MAG解析)	群間比較解析	Plasmid、ファージ推定
代謝パスウェイ解析 (COG)	オーソログ遺伝子推定	遺伝子発現解析 (データ解析のみ)	メタトランスクリプトーム解析 (データ解析のみ)

研究目的に応じたオーダーメイド解析や、データの再解釈などお悩みに応じて最適な解析内容をご提案します。ご相談ください！

bitBiome株式会社

E-mail: [service@bitbiome.co.jp](mailto:service@bitbiome.co.jp)

Web: <https://www.bitbiome.co.jp/>

〒162-0041 東京都新宿区早稲田鶴巻町513

早稲田大学121号館 415号室



お問合せ先

代理店